

## HLA TYPING REPORT

Sample ID: Sample ID 1

Donor Center Code: 

Date Sample Received in Lab: 16-Jun-2021

Date Results Reported: 07-Jul-2021

Specimen Type: DNA

Client Name: 

### Class I Typing

A*	26:01:01G, 32:01:01G
B*	41:02:01G, 44:03:01G
C*	04:01:01G, 17:01:01G

### Class II Typing

DRB1*	01:01:01G , 11:01:01G
DRB3*	02:02:01G
DRB4*	
DRB5*	
DQB1*	03:01:01G , 05:01:01G
DQA1*	01:01:01G , 05:DNDKU
DPB1*	02:01:02G , 35:01:01
DPA1*	01:03:01G , 02:01:01G

**Note:**

1. Sequencing Technology : illumina Sequencing
2. Allele Database version: IPD-IMGT/HLA Database 3.43.0 (Jan 2021)
3. NMDP code is reported if G code is not available after analyzing non-ARS exons

Please refer Appendix in this report for the alleles bearing suffix 'G' on them.

Comments:

DIRECTOR / ASSOCIATE DIRECTOR \_\_\_\_\_

## HLA TYPING REPORT - APPENDIX

Locus	G Code	NMDP Allele Code	Segment Sequenced	Included Alleles
<b>Sample ID : Sample ID 1</b>				
A	26:01:01G	26:DNDGN	Exon 1,2,3,4	26:01:01:01/26:01:01:02/26:01:01:04/26:01:01:05/26:01:01:06/ 26:01:01:07/26:01:01:08/26:01:01:09/26:01:01:10/26:01:01:11/ 26:01:01:12/26:01:01:13/26:01:01:14/26:01:01:15/26:01:01:16/ 26:01:01:17/26:01:01:18/26:01:01:19/26:01:01:20/26:01:01:21/ 26:01:01:22/26:01:01:23/26:01:01:24/26:01:01:25/26:01:01:26/ 26:01:01:27/26:01:01:28/26:01:01:29/26:01:01:30/26:01:01:31/ 26:01:01:32/26:01:01:33/26:01:01:34/26:01:01:35/26:01:01:36/ 26:01:01:37/26:01:01:38/26:01:01:44/26:01:46/26:01:49/26:01:67/26:163/ 26:164/26:166Q/26:167/26:167/26:208/26:209
A	32:01:01G	32:DNDCT	Exon 1,2,3,4	32:01:01:01/32:01:01:02/32:01:01:03/32:01:01:04/32:01:01:05/ 32:01:01:06/32:01:01:07/32:01:01:08/32:01:01:09/32:01:01:10/ 32:01:01:11/32:01:01:12/32:01:01:13/32:01:01:14/32:01:01:15/ 32:01:01:16/32:01:01:17/32:01:01:18/32:01:01:19/32:01:01:20/ 32:01:01:21/32:01:01:22/32:01:01:23/32:01:01:24/32:01:01:25/ 32:01:01:26/32:01:01:27/32:01:36/32:103/32:117N/32:122/32:134/32:147
B	41:02:01G	41:02:01	Exon 2,3,4	41:02:01:01/41:02:01:02/41:02:01:03/41:02:01:04/41:02:01:05/ 41:02:01:06/41:02:01:07/41:02:01:08/41:02:01:09
B	44:03:01G	44:DFDNZ	Exon 2,3,4	44:03:01:01/44:03:01:02/44:03:01:03/44:03:01:04/44:03:01:05/ 44:03:01:06/44:03:01:07/44:03:01:08/44:03:01:09/44:03:01:10/ 44:03:01:11/44:03:01:12/44:03:01:13/44:03:01:14/44:03:01:15/ 44:03:01:16/44:03:01:17/44:03:01:18/44:03:01:19/44:03:01:20/ 44:03:01:21/44:03:01:22/44:03:01:23/44:03:01:24/44:03:01:25/ 44:03:01:26/44:03:01:27/44:03:01:28/44:03:01:29/44:03:01:30/ 44:03:01:31/44:03:01:32/44:03:01:33/44:03:01:34/44:03:01:35/ 44:03:01:36/44:03:01:37/44:03:01:38/44:03:53/44:03:56/44:298/44:302/ 44:309N/44:466N/44:474/44:476/44:488
C	04:01:01G	04:DNDDH	Exon 2,3,4,7	04:01:01:01/04:01:01:02/04:01:01:03/04:01:01:04/04:01:01:05/ 04:01:01:06/04:01:01:07/04:01:01:08/04:01:01:09/04:01:01:10/ 04:01:01:11/04:01:01:12/04:01:01:13/04:01:01:14/04:01:01:15/ 04:01:01:16/04:01:01:17/04:01:01:18/04:01:01:19/04:01:01:20/ 04:01:01:21/04:01:01:22/04:01:01:23/04:01:01:24/04:01:01:25/ 04:01:01:26/04:01:01:27/04:01:01:28/04:01:01:29/04:01:01:31/ 04:01:01:32/04:01:01:33/04:01:01:34/04:01:01:35/04:01:01:36/ 04:01:01:37/04:01:01:38/04:01:01:39/04:01:01:40/04:01:01:41/ 04:01:01:42/04:01:01:43/04:01:01:44/04:01:01:45/04:01:01:46/ 04:01:01:47Q/04:01:01:48/04:01:01:49/04:01:01:50/04:01:01:51/ 04:01:01:52/04:01:01:53/04:01:01:54/04:01:01:55/04:01:01:56/ 04:01:01:57/04:01:01:58/04:01:01:59/04:01:01:60/04:01:01:61/ 04:01:01:62/04:01:01:63/04:01:01:64/04:01:01:65/04:01:01:66/ 04:01:01:67/04:01:01:68/04:01:01:69/04:01:01:70/04:01:01:71/ 04:01:01:72/04:01:01:73/04:01:01:74/04:01:01:75/04:01:01:76/ 04:01:01:77/04:01:01:78/04:01:01:79/04:01:01:80/04:01:01:81/ 04:01:01:82/04:01:01:83/04:01:01:84Q/04:01:01:85/04:01:01:86/

## HLA TYPING REPORT - APPENDIX

Locus	G Code	NMDP Allele Code	Segment Sequenced	Included Alleles
				04:01:01:87/04:01:01:88/04:01:01:89/04:01:01:90/04:01:01:91/ 04:01:01:92/04:01:01:93/04:01:01:94/04:01:01:95/04:01:01:96/ 04:01:01:97/04:01:01:98/04:01:01:99/04:01:01:100/04:01:01:101/ 04:01:01:102/04:01:01:103/04:01:01:104/04:01:01:105/04:01:01:106/ 04:01:78/04:01:79/04:01:83/04:01:85/04:01:86/04:01:92/01:04:01:92:02/ 04:01:92:03/04:01:110/04:01:113/04:01:118/04:01:119/04:01:120/ 04:01:130/04:82/04:226/04:275/04:277/04:298/04:306/04:308/04:321/ 04:322/04:327/04:330/04:339-01/04:348/04:358/04:375/04:380/04:388/ 04:390/04:391/04:394/04:395/04:397/04:398/04:399/04:423/04:430/04:432
C	17:01:01G	17:DMFHN	Exon 2,3,4,7	17:01:01:02/17:01:01:03/17:01:01:04/17:01:01:05/17:01:01:06/ 17:01:01:07/17:01:01:08/17:01:01:09/17:01:01:10/17:01:01:11/ 17:01:01:12/17:01:01:13/17:01:01:14/17:01:01:15/17:02/17:03:01:01/ 17:03:01:02/17:03:01:03/17:03:01:04/17:03:01:05/17:39/17:43/17:44/ 17:47/17:50/17:51:01:01/17:51:01:02/17:51:02/17:54
DRB1	01:01:01G	01:DMFJC	Exon 2,3	01:01:01:01/01:01:01:02/01:01:01:03/01:01:01:04/01:01:01:32/01:01:33/ 01:01:35/01:100/01:115/01:120
DRB1	11:01:01G	11:AWZTN	Exon 2,3	11:01:01:01/11:01:01:02/11:01:01:03/11:01:01:04/11:01:40/11:277
DRB3	02:02:01G	02:DMEZV	Exon 2,3	02:02:01:01/02:02:01:02/02:02:01:03/02:02:01:04/02:02:01:05/ 02:02:01:06/02:02:01:07/02:02:01:08/02:02:01:09/02:02:01:10/ 02:02:01:11/02:02:01:12/02:02:01:13/02:02:01:14/02:02:23/02:02:26/ 02:96/02:144/02:151
DQB1	03:01:01G	03:DJUYK	Exon 2,3	03:01:01:01/03:01:01:02/03:01:01:03/03:01:01:04/03:01:01:05/ 03:01:01:06/03:01:01:07/03:01:01:08/03:01:01:09/03:01:01:10/ 03:01:01:11/03:01:01:12/03:01:01:14/03:01:01:15/03:01:01:16/ 03:01:01:17/03:01:01:18/03:01:01:19/03:01:01:20/03:01:01:21Q/ 03:01:01:22/03:01:01:23/03:01:01:24/03:01:01:25/03:01:01:26/03:01:41/ 03:01:43/03:01:44/03:276N/03:292/03:293/03:294/03:297/03:326/03:342/ 03:350/03:419/03:426/03:431/03:439
DQB1	05:01:01G	05:DJGUF	Exon 2,3	05:01:01:01/05:01:01:02/05:01:01:03/05:01:01:04/05:01:01:05/ 05:01:01:06/05:01:01:07/05:01:01:08/05:01:01:09/05:01:01:10/ 05:01:01:11/05:01:01:12/05:01:01:13/05:01:24/05:01:24:02/05:01:26/ 05:01:27/05:01:28/05:01:29/05:01:33/05:01:35/05:01:38/05:01:40/ 05:183/05:193/05:194/05:195/05:216/05:232/05:234/05:237/05:263
DQA1	01:01:01G	01:DMFHW	Exon 2,3	01:01:01:01/01:01:01:02/01:01:01:03/01:01:01:05/01:01:01:06/ 01:01:01:07/01:01:01:08/01:01:01:09/01:01:02:01/01:01:02:02/01:01:07/ 01:01:09/01:04:01:01/01:04:01:02/01:04:01:03/01:04:01:04/01:05:01:01/ 01:05:01:02/01:05:01:03/01:05:02/01:27/01:53
DQA1	05:DNDKU	05:DNDKU	Exon 2,3	05:05:01:01/05:05:01:02/05:05:01:03/05:05:01:04/05:05:01:05/ 05:05:01:06/05:05:01:07/05:05:01:08/05:05:01:09/05:05:01:10/ 05:05:01:11/05:05:01:12/05:05:01:13/05:05:01:14/05:05:01:15/ 05:05:01:16/05:05:01:17/05:05:01:18/05:05:01:19/05:05:01:20/ 05:05:01:21/05:05:01:22/05:05:01:23/05:05:01:24/05:05:01:25/ 05:05:01:26/05:05:06/05:09/05:11/05:13/05:29Q
DPB1	35:01:01		Exon 2,3	
DPB1	02:01:02G	02:CWKYN	Exon 2,3	02:01:02:01/02:01:02:02/02:01:02:03/02:01:02:04/02:01:02:05/ 02:01:02:06/02:01:02:07/02:01:02:08/02:01:02:09/02:01:02:10/





## HLA TYPING REPORT - APPENDIX

Locus	G Code	NMDP Allele Code	Segment Sequenced	Included Alleles
				02:01:02:11/02:01:02:12/02:01:02:13/02:01:02:14/02:01:02:15/ 02:01:02:16/02:01:02:17/02:01:02:18/02:01:02:19/02:01:02:20/ 02:01:02:21/02:01:02:22/02:01:02:23/02:01:02:24/02:01:02:25/ 02:01:02:26/02:01:02:27/02:01:02:28/02:01:02:29/02:01:02:30/ 02:01:02:31/02:01:02:32/02:01:02:33/02:01:02:34/02:01:02:35/ 02:01:02:36/02:01:02:37/02:01:02:38/02:01:02:39/02:01:02:40/ 02:01:02:41/02:01:02:42/02:01:02:43/02:01:02:44/02:01:02:45/ 02:01:02:46Q/02:01:02:47/02:01:02:48/02:01:02:49/02:01:02:50/ 02:01:02:51/02:01:02:52/02:01:19/01:02:01:19/02:02:01:26/02:01:40/ 02:01:52/678-01/845-01/857-01/1055-01/1077-01/1082-01
DPA1	01:03:01G	01:DMFHP	Exon 2,3	01:03:01:01/01:03:01:02/01:03:01:03/01:03:01:04/01:03:01:05/ 01:03:01:06/01:03:01:07/01:03:01:08/01:03:01:09/01:03:01:10/ 01:03:01:11/01:03:01:12/01:03:01:13/01:03:01:14/01:03:01:15/ 01:03:01:16/01:03:01:17/01:03:01:18Q/01:03:01:19/01:03:01:20/ 01:03:01:21/01:03:01:22/01:03:01:23/01:03:01:24/01:03:01:25/ 01:03:01:26/01:03:01:27/01:03:01:28/01:03:01:29/01:03:01:30/ 01:03:01:31/01:03:01:32/01:03:01:33/01:03:01:34/01:03:01:35/ 01:03:01:36/01:03:01:37/01:03:01:38/01:03:01:39/01:03:06/01:03:08/ 01:03:10/01:03:19/01:14/01:30/01:43/01:45
DPA1	02:01:01G	02:DBPGA	Exon 2,3	02:01:01:01/02:01:01:02/02:01:01:03/02:01:01:04/02:01:01:05/ 02:01:01:06/02:01:01:07/02:01:01:08/02:01:01:09/02:01:01:10/ 02:01:01:11/02:01:01:12/02:01:01:13/02:01:01:14/02:01:01:15/ 02:01:01:16/02:01:01:17/02:01:01:18/02:01:01:19/02:08/02:16/ 02:26-01:01/02:26-01:02/02:29/02:31